**TABLE S5:** Multiplex polymerase chain reaction (PCR) - panel and results of microbiological culture (MC) of children with radiological confirmed pCAP in relation to radiological findings based on the WHO- (S5-A), the pedCAPNETZ-item catalogue (S5-B) and the radiographic pattern (S5-C), when the two external raters were compliant. In some children, the PCR or MC analyses of the upper and/or lower airway tract displayed multiple pathogenic agents. Therefore, the asterix in the columns indicate monoculture, the appendix CI indicates co-infection by an additional pathogen.Total numbers of detects and percentage in relation to samples with positive proof are reported.

|  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| **S5-A** | | **WHO** | | | | | | | | | | | | | |
| **Group** | | **Consolidation\*** | | **Consolidation CI** | | **Other infiltrates\*** | | **Other infiltrates**  **CI** | | **Pleural effusion**  **\*** | | | **Pleural effusion**  **CI** | | |
| **upper** | **lower** | **upper** | **lower** | **upper** | **lower** | **upper** | **lower** | **upper** | **lower** | | **upper** | | **lower** |
|  | **RSV A/B n (%)** | 10 (20) | 6 (23) | 8 (21) | 6 (38) | 25 (28) | 15 (31) | 15 (23) | 6 (38) | 5 (18) | 3 (20) | 2 (25) | | 0 (0) | |
| **Rhinovirus n (%)** | 6 (12) | 3 (12) | 2 (5) | 0 (0) | 12 (13) | 5 (10) | 6 (9) | 4 (25) | 5 (18) | 2 (13) | 1 (12) | | 0 (0) | |
| **Human bocavirus n (%)** | 6 (12) | 4 (15) | 7 (18) | 6 (38) | 11 (12) | 4 (8) | 14 (22) | 0 (0) | 1 (4) | 0 (0) | 1 (12) | | 0 (0) | |
| **Mycoplasma pneumoniae n (%)** | 7 (14) | 7 (27) | 0 (0) | 0 (0) | 13 (14) | 13 (27) | 4 (6) | 2 (12) | 5 (18) | 7 (47) | 0 (0) | | 2 (50) | |
| **Human metapneumovirus A/B n (%)** | 5 (10) | 1 (4) | 3 (8) | 0 (0) | 8 (9) | 1 (2) | 6 (9) | 0 (0) | 2 (7) | 0 (0) | 1 (12) | | 0 (0) | |
| **Human coronavirus (HKU 1, NL 63, 229E, OC43) n (%)** | 2 (4) | 0 (0) | 4 (11) | 0 (0) | 8 (9) | 1 (2) | 13 (20) | 2 (12) | 1 (4) | 1 (7) | 0 (0) | | 2 (50) | |
| **Parainfluenzavirus n (%)** | 5 (10) | 2 (8) | 5 (13) | 0 (0) | 2 (2) | 1 (2) | 0 (0) | 0 (0) | 5 (18) | 2 (13) | 1 (12) | | 0 (0) | |
| **Adenovirus n (%)** | 4 (8) | 0 (0) | 7 (18) | 0 (0) | 2 (2) | 0 (0) | 1 (2) | 0 (0) | 3 (11) | 0 (0) | 2 (24) | | 0 (0) | |
| **Enterovirus n (%)** | 2 (4) | 1 (4) | 0 (0) | 0 (0) | 2 (2) | 3 (6) | 0 (0) | 0 (0) | 1 (4) | 0 (0) | 0 (0) | | 0 (0) | |
| **Influenza-A-virus n (%)** | 1 (2) | 1 (4) | 0 (0) | 0 (0) | 4 (4) | 2 (4) | 4 (6) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | | 0 (0) | |
| **Influenza-B-virus n (%)** | 1 (2) | 1 (4) | 0 (0) | 0 (0) | 3 (3) | 2 (4) | 1 (2) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | | 0 (0) | |
| **Parechovirus n (%)** | 1 (2) | 0 (0) | 2 (5) | 4 (25) | 0 (0) | 1 (2) | 0 (0) | 2 (12) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | | 0 (0) | |
|  | **Haemophilus influenzae n (%)** | 1 (14) | 5 (19) | 0 (0) | 8 (24) | 9 (47) | 11 (23) | 4 (33) | 4 (10) | 0 (0) | 3 (17) | 0 (0) | | 4 (12) | |
| **Moraxella catarrhalis n (%)** | 2 (29) | 0 (0) | 2 (33) | 0 (0) | 4 (21) | 1 (2) | 4 (33) | 6 (15) | 1 (17) | 0 (0) | 2 (33) | | 0 (0) | |
| **Staphylococcus aureus n (%)** | 2 (29) | 2 (8) | 0 (0) | 4 (12) | 1 (5) | 5 (10) | 1 (8) | 4 (10) | 2 (33) | 2 (11) | 0 (0) | | 4 (12) | |
| **ORSA/MRSA n (%)** | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 1 (5) | 0 (0) | 1 (8) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | | 0 (0) | |
| **Streptococcus pneumoniae n (%)** | 1 (14) | 2 (8) | 2 (33) | 4 (12) | 2 (11) | 0 (0) | 2 (17) | 4 (10) | 1 (17) | 0 (0) | 2 (33) | | 0 (0) | |
| **Enterobacter n (%)** | 0 (0) | 2 (8) | 0 (0) | 4 (12) | 0 (0) | 4 (8) | 1 (8) | 4 (10) | 0 (0) | 2 (11) | 0 (0) | | 6 (19) | |
| **Pseudomonas spp. n (%)** | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 1 (5) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) |  | 0 (0) | |  | |
| **Klebsiella oxytoca n (%)** | 0 (0) | 1 (4) | 0 (0) | 2 (6) | 0 (0) | 1 (2) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 1 (6) | 0 (0) | | 4 (12) | |
| **Klebsiella pneumoniae n (%)** | 0 (0) | 1 (4) | 0 (0) | 2 (6) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 1 (6) | 0 (0) | | 2 (6) | |
| **E. coli n (%)** | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | | 0 (0) | |
| **Haemophilus parainfluenzae n (%)** | 0 (0) | 8 (31) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 7 (15) | 0 (0) | 4 (10) | 0 (0) | 4 (22) | 0 (0) | | 0 (0) | |
| **Haemophilus spp. n (%)** | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 3 (6) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | | 0 (0) | |
| **Haemophilus haemolyticus n (%)** | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 1 (2) | 0 (0) | 2 (5) | 0 (0) | 1 (6) | 0 (0) | | 0 (0) | |
| **Actinetobacter spp. n (%)** | 0 (0) | 1 (4) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 4 (8) | 0 (0) | 6 (15) | 0 (0) | 1 (6) | 0 (0) | | 4 (12) | |
| **Candida albicans n (%)** | 0 (0) | 2 (8) | 0 (0) | 2 (6) | 0 (0) | 3 (6) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 2 (11) | 0 (0) | | 2 (6) | |
| **Others\*\* n(%)** | 1 (14) | 2 (8) | 2 (33) | 10 (28) | 1 (5) | 8 (16) | 0 (0) | 6 (15) | 2 (34) | 1 (6) | 2 (33) | | 6 (18) | |

|  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| **S5-B** | | **pedCAPNETZ- item-catalogue** | | | | | | | | | | | | | |
| **Group** | | **Peribronchial thickening \*** | | **Peribronchial thickening CI** | | **Interstitial pattern \*** | | **Interstitial pattern CI** | | **Hyperinflation \*** | | | **Hyperinflation CI** | | |
| **upper** | **lower** | **upper** | **lower** | **upper** | **lower** | **upper** | **lower** | **upper** | **lower** | | **upper** | | **lower** |
|  | **RSV A/B n (%)** | 30 (29) | 21 (36) | 19 (25) | 14 (39) | 8 (32) | 5 (36) | 4 (25) | 2 (50) | 27 (26) | 21 (32) | 16 (18) | | 16 (29) | |
| **Rhinovirus n (%)** | 15 (15) | 6 (10) | 7 (9) | 4 (11) | 1 (4) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 17 (17) | 8 (12) | 7 (8) | | 2 (4) | |
| **Human bocavirus n (%)** | 16 (16) | 6 (10) | 18 (24) | 6 (17) | 1 (4) | 0 (0) | 3 (19) | 0 (0) | 19 (19) | 10 (15) | 19 (22) | | 6 (11) | |
| **Mycoplasma pneumoniae n (%)** | 12 (12) | 12 (20) | 4 (5) | 2 (6) | 8 (32) | 7 (50) | 1 (6) | 0 (0) | 6 (6) | 7 (11) | 4 (5) | | 2 (4) | |
| **Human metapneumovirus A/B n (%)** | 8 (8) | 2 (3) | 5 (7) | 2 (6) | 3 (12) | 1 (7) | 1 (6) | 2 (50) | 7 (7) | 3 (5) | 8 (9) | | 2 (4) | |
| **Human coronavirus (HKU 1, NL 63, 229E, OC43) n (%)** | 6 (6) | 2 (3) | 11 (14) | 2 (6) | 1 (4) | 0 (0) | 3 (19) | 0 (0) | 8 (8) | 3 (5) | 15 (17) | | 10 (18) | |
| **Parainfluenzavirus n (%)** | 3 (3) | 2 (3) | 3 (4) | 4 (11) | 0 (0) | 0 (0) |  | 0 (0) | 6 (6) | 2 (3) | 12 (14) | | 4 (7) | |
| **Adenovirus n (%)** | 3 (3) | 0 (0) | 4 (5) | 0 (0) | 2 (8) | 0 (0) | 4 (25) | 0 (0) | 1 (1) | 0 (0) | 3 (3) | | 0 (0) | |
| **Enterovirus n (%)** | 4 (4) | 4 (7) | 1 (1) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 4 (4) | 5 (8) | 1 (1) | | 0 (0) | |
| **Influenza-A-virus n (%)** | 3 (3) | 1 (2) | 3 (4) | 0 (0) | 1 (4) | 1 (7) | 0 (0) | 0 (0) | 3 (3) | 2 (3) | 2 (2) | | 6 (11) | |
| **Influenza-B-virus n (%)** | 3 (3) | 2 (3) | 1 (1) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 4 (4) | 3 (5) | 1 (1) | | 0 (0) | |
| **Parechovirus n (%)** | 0 (0) | 1 (2) | 0 (0) | 2 (6) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 2 (3) | 0 (0) | | 8 (14) | |
|  | **Haemophilus influenzae n (%)** | 10 (53) | 19 (30) | 4 (33) | 10 (13) | 3 (75) | 3 (20) | 1 (50) | 4 (17) | 12 (41) | 18 (35) | 8 (31) | | 16 (21) | |
| **Moraxella catarrhalis n (%)** | 4 (21) | 0 (0) | 4 (33) | 6 (8) | 1 (25) | 1 (7) | 1 (50) | 2 (8) | 7 (24) | 1 (2) | 5 (19) | | 6 (8) | |
| **Staphylococcus aureus n (%)** | 1 (5) | 7 (11) | 1 (8) | 10 (13) | 0 (0) | 3 (20) | 0 (0) | 6 (25) | 1 (3) | 3 (6) | 0 (0) | | 4 (5) | |
| **ORSA/MRSA n (%)** | 1 (5) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 1 (3) | 0 (0) | 0 (0) | | 0 (0) | |
| **Streptococcus pneumoniae n (%)** | 1 (5) | 1 (2) | 2 (17) | 4 (5) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 4 (14) | 0 (0) | 6 (23) | | 4 (5) | |
| **Enterobacter n (%)** | 1 (5) | 7 (11) | 1 (8) | 8 (11) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 1 (3) | 1 (2) | 2 (8) | | 6 (8) | |
| **Pseudomonas spp. n (%)** | 1 (5) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 1 (2) | 0 (0) | | 4 (5) | |
| **Klebsiella oxytoca n (%)** | 0 (0) | 2 (3) | 0 (0) | 2 (3) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 1 (3) | 1 (2) | 2 (8) | | 4 (5) | |
| **Klebsiella pneumoniae n (%)** | 0 (0) | 1 (2) | 0 (0) | 2 (3) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | | 0 (0) | |
| **E. coli n (%)** | 0 (0) | 1 (2) | 0 (0) | 4 (5) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 2 (4) | 0 (0) | | 2 (3) | |
| **Haemophilus parainfluenzae n (%)** | 0 (0) | 7 (11) | 0 (0) | 6 (8) | 0 (0) | 5 (33) | 0 (0) | 6 (25) | 0 (0) | 8 (16) | 0 (0) | | 2 (3) | |
| **Haemophilus spp. n (%)** | 0 (0) | 2 (3) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 1 (2) | 0 (0) | | 0 (0) | |
| **Haemophilus haemolyticus n (%)** | 0 (0) | 1 (2) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 3 (6) | 0 (0) | | 0 (0) | |
| **Actinetobacter spp. n (%)** | 0 (0) | 2 (3) | 0 (0) | 4 (5) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 5 (10) | 0 (0) | | 16 (21) | |
| **Candida albicans n (%)** | 0 (0) | 2 (3) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 2 (4) | 0 (0) | | 0 (0) | |
| **Others\*\* n(%)** | 0 (0) | 11 (21) | 0 (0) | 18 (27) | 0 (0) | 3 (21) | 0 (0) | 6 (25) | 2 (6) | 4 (8) | 3 (12) | | 12 (16) | |

|  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| **S5-B** | | **pedCAPNETZ- item-catalogue** | | | | | | | | | | | | | |
| **Group** | | **Infiltrate \*** | | **Infiltrate CI** | | **Atelectasis / dystelectasis \*** | | **Atelectasis / dystelectasis CI** | | **Pleural effusion \*** | | | **Pleural effusion CI** | | |
| **upper** | **lower** | **upper** | **lower** | **upper** | **lower** | **upper** | **lower** | **upper** | **lower** | | **upper** | | **lower** |
|  | **RSV A/B n (%)** | 26 (19) | 15 (19) | 17 (20) | 12 (33) | 9 (29) | 4 (31) | 7 (19) | 2 (25) | 5 (18) | 3 (20) | 2 (25) | | 0 (0) | |
| **Rhinovirus n (%)** | 22 (16) | 10 (13) | 8 (10) | 4 (11) | 4 (13) | 2 (15) | 3 (8) | 2 (25) | 5 (18) | 2 (13) | 1 (12) | | 0 (0) | |
| **Human bocavirus n (%)** | 18 (13) | 8 (10) | 18 (21) | 6 (17) | 2 (6) | 0 (0) | 3 (8) | 0 (0) | 1 (4) | 0 (0) | 1 (12) | | 0 (0) | |
| **Mycoplasma pneumoniae n (%)** | 23 (17) | 24 (31) | 4 (5) | 4 (11) | 4 (13) | 3 (23) | 4 (11) | 2 (25) | 5 (18) | 7 (47) | 0 (0) | | 2 (50) | |
| **Human metapneumovirus A/B n (%)** | 12 (9) | 2 (3) | 10 (12) | 2 (6) | 3 (10) | 0 (0) | 5 (14) | 0 (0) | 2 (7) | 0 (0) | 1 (12) | | 0 (0) | |
| **Human coronavirus (HKU 1, NL 63, 229E, OC43) n (%)** | 7 (5) | 4 (5) | 9 (11) | 4 (11) | 4 (13) | 1 (8) | 8 (22) | 2 (25) | 1 (4) | 1 (7) | 0 (0) | | 2 (50) | |
| **Parainfluenzavirus n (%)** | 9 (7) | 4 (5) | 5 (6) | 4 (11) | 1 (3) | 0 (0) | 3 (8) | 0 (0) | 5 (18) | 2 (13) | 1 (12) | | 0 (0) | |
| **Adenovirus n (%)** | 8 (6) | 1 (1) | 8 (10) | 0 (0) | 1 (3) | 0 (0) | 3 (8) | 0 (0) | 3 (11) | 0 (0) | 2 (24) | | 0 (0) | |
| **Enterovirus n (%)** | 3 (2) | 3 (4) | 1 (1) | 0 (0) | 1 (3) | 2 (15) | 0 (0) | 0 (0) | 1 (4) | 0 (0) | 0 (0) | | 0 (0) | |
| **Influenza-A-virus n (%)** | 4 (3) | 3 (4) | 0 (0) | 0 (0) | 1 (3) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | | 0 (0) | |
| **Influenza-B-virus n (%)** | 4 (3) | 3 (4) | 2 (2) | 0 (0) | 1 (3) | 1 (8) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | | 0 (0) | |
| **Parechovirus n (%)** | 1 (1) | 0 (0) | 2 (2) | 0 (0) |  | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | | 0 (0) | |
|  | **Haemophilus influenzae n (%)** | 7 (37) | 18 (21) | 1 (12) | 14 (15) | 2 (25) | 6 (38) | 0 (0) | 6 (21) | 0 (0) | 3 (17) | 0 (0) | | 4 (12) | |
| **Moraxella catarrhalis n (%)** | 4 (21) | 1 (1) | 3 (38) | 2 (2) | 1 (12) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 1 (17) | 0 (0) | 2 (33) | | 0 (0) | |
| **Staphylococcus aureus n (%)** | 2 (11) | 11 (13) | 0 (0) | 12 (12) | 1 (12) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 2 (33) | 2 (11) | 0 (0) | | 4 (12) | |
| **ORSA/MRSA n (%)** | 1 (5) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | | 0 (0) | |
| **Streptococcus pneumoniae n (%)** | 2 (11) | 2 (2) | 2 (25) | 4 (4) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 1 (17) | 0 (0) | 2 (33) | | 0 (0) | |
| **Enterobacter n (%)** | 0 (0) | 9 (11) | 0 (0) | 12 (12) | 1 (12) | 2 (12) | 2 (33) | 8 (29) | 0 (0) | 2 (11) | 0 (0) | | 6 (19) | |
| **Pseudomonas spp. n (%)** | 1 (5) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | | 0 (0) | |
| **Klebsiella oxytoca n (%)** | 0 (0) | 2 (2) | 0 (0) | 6 (6) | 1 (12) | 0 (0) | 2 (33) | 0 (0) | 0 (0) | 1 (6) | 0 (0) | | 4 (12) | |
| **Klebsiella pneumoniae n (%)** | 0 (0) | 2 (2) | 0 (0) | 4 (4) | 0 (0) | 1 (6) | 0 (0) | 2 (7) | 0 (0) | 1 (6) | 0 (0) | | 2 (6) | |
| **E. coli n (%)** | 0 (0) | 1 (1) | 0 (0) | 4 (4) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | | 0 (0) | |
| **Haemophilus parainfluenzae n (%)** | 0 (0) | 17 (20) | 0 (0) | 6 (6) | 0 (0) | 1 (6) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 4 (22) | 0 (0) | | 0 (0) | |
| **Haemophilus spp. n (%)** | 0 (0) | 1 (1) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 1 (6) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | | 0 (0) | |
| **Haemophilus haemolyticus n (%)** | 0 (0) | 2 (2 | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 1 (6) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 1 (6) | 0 (0) | | 0 (0) | |
| **Actinetobacter spp. n (%)** | 0 (0) | 5 (6) | 0 (0) | 8 (8) | 0 (0) | 1 (6) | 0 (0) | 6 (21) | 0 (0) | 1 (6) | 0 (0) | | 4 (12) | |
| **Candida albicans n (%)** | 0 (0) | 5 (6) | 0 (0) | 2 (2) | 0 (0) | 1 (6) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 2 (11) | 0 (0) | | 2 (6) | |
| **Others\*\* n(%)** | 2 (10) | 9 (9) | 2 (25) | 22 (22) | 2 (24) | 1 (6) | 2 (33) | 6 (21) | 2 (34) | 1 (6) | 2 (33) | | 6 (18) | |

|  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| **S5-C** | | **Radiographic pattern** | | | | | | | | | | | | | |
| **Group** | | **Lobar pneumonia \*** | | **Lobar pneumonia CI** | | **Bronchopneumonia \*** | | **Bronchopneumonia CI** | | **Interstitial pneumonia \*** | | | **Interstitial pneumonia CI** | | |
| **upper** | **lower** | **upper** | **lower** | **upper** | **lower** | **upper** | **lower** | **upper** | **lower** | | **upper** | | **lower** |
|  | **RSV A/B n (%)** | 4 (13) | 1 (9) | 2 (12) | 0 (0) | 6 (19) | 3 (16) | 6 (20) | 4 (25) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | | 0 (0) | |
| **Rhinovirus n (%)** | 4 (13) | 2 (18) | 1 (6) | 0 (0) | 5 (16) | 0 (0) | 3 (10) |  | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | | 0 (0) | |
| **Human bocavirus n (%)** | 1 (3) | 0 (0) | 1 (6) | 0 (0) | 8 (26) | 0 (0) | 10 (33) | 4 (25) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | | 0 (0) | |
| **Mycoplasma pneumoniae n (%)** | 4 (13) | 4 (36) | 2 (12) | 0 (0) | 2 (6) | 5 (26) | 1 (3) | 2 (12) | 3 (100) | 3 (100) | 0 (0) | | 0 (0) | |
| **Human metapneumovirus A/B n (%)** | 4 (13) | 1 (9) | 1 (6) | 0 (0) | 1 (3) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | | 0 (0) | |
| **Human coronavirus (HKU 1, NL 63, 229E, OC43) n (%)** | 1 (3) | 0 (0) | 3 (19) | 0 (0) | 2 (6) | 1 (5) | 3 (10) | 2 (12) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | | 0 (0) | |
| **Parainfluenzavirus n (%)** | 4 (13) | 1 (9) | 4 (25) | 0 (0) | 3 (10) | 3 (16) | 2 (7) | 4 (25) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | | 0 (0) | |
| **Adenovirus n (%)** | 4 (13) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 1 (3) | 0 (0) | 3 (10) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | | 0 (0) | |
| **Enterovirus n (%)** | 1 (3) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 2 (6) | 2 (11) | 1 (3) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | | 0 (0) | |
| **Influenza-A-virus n (%)** | 1 (3) | 1 (9) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | | 0 (0) | |
| **Influenza-B-virus n (%)** | 1 (3) | 1 (9) | 0 (0) | 0 (0) | 1 (3) | 1 (5) | 1 (3) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | | 0 (0) | |
| **Parechovirus n (%)** | 1 (3) | 0 (0) | 2 (12) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | | 0 (0) | |
|  | **Haemophilus influenzae n (%)** | 0 (0) | 1 (6) | 0 (0) | 4 (11) | 0 (0) | 4 (21) | 0 (0) | 4 (20) | 0 (0) | 1 (100) | 0 (0) | | 0 (0) | |
| **Moraxella catarrhalis n (%)** | 2 (40) | 0 (0) | 2 (33) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | | 0 (0) | |
| **Staphylococcus aureus n (%)** | 1 (20) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 3 (16) | 0 (0) | 4 (20) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | | 0 (0) | |
| **ORSA/MRSA n (%)** | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | | 0 (0) | |
| **Streptococcus pneumoniae n (%)** | 1 (20) | 1 (6) | 2 (33) | 4 (11) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | | 0 (0) | |
| **Enterobacter n (%)** | 0 (0) | 3 (19) | 0 (0) | 8 (22) | 0 (0) | 4 (21) | 0 (0) | 4 (20) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | | 0 (0) | |
| **Pseudomonas spp. n (%)** | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | | 0 (0) | |
| **Klebsiella oxytoca n (%)** | 0 (0) | 2 (12) | 0 (0) | 6 (17) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | | 0 (0) | |
| **Klebsiella pneumoniae n (%)** | 0 (0) | 1 (6) | 0 (0) | 2 (6) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | | 0 (0) | |
| **E. coli n (%)** | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | | 0 (0) | |
| **Haemophilus parainfluenzae n (%)** | 0 (0) | 5 (31) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 3 (16) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | | 0 (0) | |
| **Haemophilus spp. n (%)** | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | | 0 (0) | |
| **Haemophilus haemolyticus n (%)** | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 1 (5) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | | 0 (0) | |
| **Actinetobacter spp. n (%)** | 0 (0) | 1 (6) | 0 (0) | 4 (11) | 0 (0) | 1 (5) | 0 (0) | 2 (10) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | | 0 (0) | |
| **Candida albicans n (%)** | 0 (0) | 1 (6) | 0 (0) | 2 (6) | 0 (0) | 1 (5) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | | 0 (0) | |
| **Others\*\* n(%)** | 1 (20) | 1 (6) | 2 (33) | 6 (17) | 0 (0) | 2 (10) | 0 (0) | 6 (30) | 0 (0) | 0 (0) | 0 (0) | | 0 (0) | |

\*\* Streptococcus pyogenes; Streptococcus (ß-häm) non-A, non-B; Streptococcus viridans; Streptococcus pyogenes; Bacillus species; Propionibacterium acnes; Streptococcus mitis; Corynebakterium; Haemophilus parahaemolyticus; Pantoea sp.; Serratia marcescens; Stenotrophomonas maltophilia; Candida guilliermondii; Non-fermenting bacteria