

Supplementary Table 2 (S_Table2)

Convergent functional genomic (CFG) ranking for target genes associated.

Information collected from www.alzdata.org. Abbreviations: expression quantitative trait loci (eQTL); genome-wide association studies (GWAS); protein-protein interaction (PPI), and differentially expressed genes (DEG).

	Gene	eQTL	GWAS	PPI	Early_DEG	Pathology cor (abeta)	Pathology cor (tau)	CFG
Wobble Position	IKBKAP/ELP1	1	0	-	yes	-0.391,**	-0.088,ns	3
	ELP2	2	0	-	NA	NA	NA	1
	ELP3	1	1	-	yes	-0.456,**	-0.602,*	4
	ELP4	3	0	-	NA	NA	NA	1
	ELP5	NA	0	-	NA	NA	NA	0
	ELP6	NA	0	-	NA	NA	NA	0
	URM1	2	NA	-	NA	NA	NA	1
	CTU1	0	0	-	NA	NA	NA	0
	CTU2	0	0	-	NA	NA	NA	0
	ALKBH8	0	3	-	NA	NA	NA	1
	FTSJ1	1	NA	-	NA	NA	NA	1
	QTRT1	0	0	-	yes	-0.173,ns	0.261,ns	1
	NSUN2	0	0	-	NA	-0.093,ns	-0.427,ns	0
	TRMU	1	0	-	NA	NA	NA	1
	ADAT2	0	0	-	NA	NA	NA	0
	ADAT3	6	0	-	NA	NA	NA	1
	NSUN3	1	0	-	NA	-0.055,ns	-0.102,ns	1
	GTPBP3	0	0	-	NA	0.079,ns	-0.405,ns	0
	TRDMT1	3	0	-	NA	NA	NA	1
	Outside Wobble Position	TRMT2A	1	0	-	NA	NA	NA
TRMT2B		0	NA	-	NA	NA	NA	0
PUS1		1	0	-	NA	-0.068,ns	-0.012,ns	1
PUS3		NA	0	-	NA	-0.209,ns	-0.195,ns	0
TRMT12		3	0	-	yes	-0.222,ns	-0.721,**	3
TRMT5		0	0	-	NA	NA	NA	0
TRMT1		0	0	-	NA	0.160,ns	-0.052,ns	0
TRIT1		1	29	NA	NA	0.062,ns	0.283,ns	2
LCMT2		6	0	-	NA	NA	NA	1
TRMT11		0	0	-	NA	NA	NA	0
TRMT10A		NA	0	-	NA	NA	NA	0
TRMT61A		3	1	-	NA	NA	NA	2
KTI12		NA	0	-	NA	NA	NA	0
ADAT1		2	0	-	yes	-0.106,ns	-0.545,*	3
CDK5RAP1		1	0	-	yes	-0.188,ns	0.120,ns	2
CDKAL1		1	3	-	NA	-0.349,*	-0.046,ns	3
DUS2		NA	0	-	NA	NA	NA	0
DUS1L		1	0	-	NA	NA	NA	1
DUS3L		3	0	-	NA	-0.066,ns	-0.708,**	2
DUS4L		0	0	-	NA	NA	NA	0
METTL1		0	0	-	NA	-0.465,**	-0.327,ns	1
METTL2A		1	0	PSEN1,PSEN2	NA	NA	NA	2
METTL2B		0	0	PSEN1,PSEN2	NA	NA	NA	1
METTL6		2	0	-	NA	NA	NA	1
NSUN6		0	0	-	NA	NA	NA	0
OSGEP		0	0	-	NA	0.221,ns	0.619,*	1
PUS10		1	0	-	NA	NA	NA	1
PUS7		1	0	-	NA	NA	NA	1
THG1L		2	0	-	NA	-0.348,*	-0.079,ns	2
TRMO		NA	NA	NA	NA	NA	NA	0
TRMT10B		NA	0	-	NA	NA	NA	0
TRMT10C		NA	0	-	NA	NA	NA	0
TRMT13	NA	0	-	NA	NA	NA	0	
TRMT44	NA	0	-	NA	NA	NA	0	
TRMT61B	1	0	-	NA	NA	NA	1	
TYW3	0	0	-	NA	NA	NA	0	
TRMT6	0	0	-	NA	NA	NA	0	